Portefeuille TruSight[MC] Oncology 500

Passez de l’incertitude à l’obtention de renseignements dans le domaine du cancer

M-GL-01925 FRA v4.0

illumina[MD]

Maximisez la valeur à partir d'un nombre limité d'échantillons

La réalisation d'études d'oncologie de précision pour faire progresser les thérapies potentielles au-delà des traitements standard actuels nécessite une vue complète du contexte génomique sous-jacent d'une tumeur.

Une méthode répondant à ce défi est le profilage génomique complet (PGC), une approche de séquençage de nouvelle génération (SNG) qui :

Évalue

plus de 500 gènes simultanément en un seul test, préservant ainsi les échantillons précieux.

Consolide

les tests, **ce qui permet de gagner un temps précieux** pour orienter les prochaines étapes[6].

Augmente

la capacité à **trouver des biomarqueurs pertinents pour le cancer** par rapport aux tests monogéniques ou aux panels multigéniques[1–5].

Génère

un rapport d'analyse complet pour un examen concis.

Identifiez les altérations génétiques dans 90 % des échantillons.

Les études à grande cohorte montrent que le profilage génomique complet a le potentiel d'identifier les altérations génétiques pertinentes dans jusqu'à 90 % des échantillons[2,7–11].

TruSight Oncology 500

Un portefeuille rationalisé. Plus de 500 gènes. ≤ 5 jours[12-13].

Un profilage génomique complet en interne à partir d'échantillons de tissus et de biopsie liquide.

Avec la gamme TruSight Oncology 500, vous pouvez :

Activer le PGC

Un seul panel de SNG pantumoral couvre :

- toutes les principales classes de variants;
- les directives principales[14–16];
- les essais cliniques;
- les biomarqueurs en IO : CMT, IMS, plus signature génomique DRH*.

Effectuer la mise en œuvre en interne

Proposez une oncologie de précision dans votre établissement :

- Conservez les données et les échantillons en interne.
- Renvoyez les résultats dans un délai pertinent pour appuyer la prise de décision.
- Utilisez un test avec un contenu pantumoral complet conçu pour l'avenir.

Simplifier votre flux de travail

Rationalisez la mise en œuvre :

- Les flux de travail intégrés passent de l'échantillon au rapport en ≤ 5 jours.
- Types d'entrée flexibles (FFIP ou ADNa provenant de sang).
- Tailles de lots évolutives grâce à l'automatisation.
- Options bioinformatiques locales et infonuagiques.

Obtenir des résultats fiables

Obtenez une qualité constante dans les trois tests :

- Spécificité analytique de 99,999 %[17].
- Sensibilité analytique > 95 %[17].
- Chimie de capture hybride fiable.
- Séquençage SBS éprouvé.
- Bioinformatique sophistiquée.

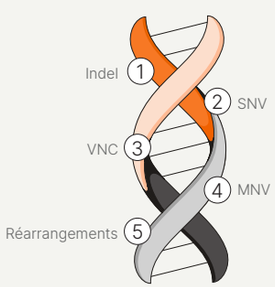
* Le DRH n'est disponible qu'avec l'ajout de la trousse TruSight Oncology 500 HRD Kit à TruSight Oncology 500.

ADNa, ADN acellulaire; FFIP, fixé au formol et inclus en paraffine; GIS, Genomic Instability Score (score d'instabilité génomique); DRH, déficit de recombinaison homologue; IO, immuno-oncologie; IMS, instabilité microsatellitaire; SBS, Sequencing by Synthesis (séquençage par synthèse); CMT, charge mutationnelle tumorale.

Couverture étendue des directives[14-16]

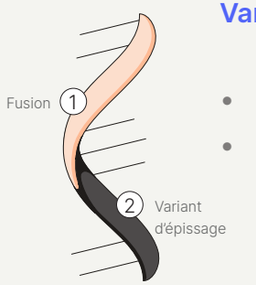
Analysez plusieurs types de variants et biomarqueurs clés dans 523 gènes pertinents pour le cancer dans l'ADN et l'ARN* en un seul test avec le portefeuille TruSight Oncology 500 et l'analyse secondaire DRAGEN[MC].

Types de variants détectés par les solutions TruSight Oncology 500



Variants d'ADN

- Insertions/suppressions (indel)
- Variants mononucléotidiques (SNV, Single Nucleotide Variant)
- Variations du nombre de copies (VNC)
- Variants nucléotidiques multiples (MNV, Multi-nucleotide Variant)
- Réarrangement de gènes



Variants d'ARN*

- Fusions
- Variants d'épissage

Signatures génomiques

- Charge mutationnelle tumorale (CMT du tissu, bTMB du sang)
- Instabilité microsatellitaire (IMS)
- Déficit de recombinaison homologue (DRH)† mesuré par le GIS‡

* Les variants d'ARN sont inclus uniquement avec les tests de tissus TruSight Oncology 500 et TruSight Oncology 500 High-Throughput.
† Le DRH n'est disponible qu'avec l'ajout de la trousse TruSight Oncology 500 HRD Kit à TruSight Oncology 500.
‡ GIS, Genomic Instability Score (score d'instabilité génomique).

Un large panel complet garantit une vaste couverture des biomarqueurs pour de nombreux types de tumeurs solides*

		Gènes présentant des biomarqueurs ayant une importance clinique potentielle†
Pantumoral	*BRAF* *NTRK1* *NTRK2* *NTRK3* *RET* IMS CMT	
Sein	*BRCA1* *BRCA2* *ERBB2* *ESR1* *PALB2* *PIK3CA*	180
Colorectal	*ERBB2* *KRAS* *NRAS*	166
Os	*EGFR* *ERG* *ETV1* *ETV4* *EWSR1* *FEV* *FLI1* *FUS* *H3F3A* *HEY1* *IDH1* *MDM2* *NCOA2* *SMARCB1*	140
Poumon	*ALK* *EGFR* *ERBB2* *KRAS* *MET* *NUTM1* *ROS1*	223
Mélanome	*KIT* *NRAS* *ROS1*	172
Ovaires	*BRCA1* *BRCA2* *FOXL2*	149
SNC‡	*APC* *ATRX* *CDKN2A* *CDKN2B* *EGFR* *H3F3A* *HIST1H3B* *HIST1H3C* *IDH1* *IDH2* *MYCN* *PTCH1* *RELA* *TERT* *TP53*	140
Prostate	*AR* *ATM* *BARD1* *BRCA1* *BRCA2* *BRIP1* *CDK12* *CHEK1* *CHEK2* *FANCL* *FGFR2* *FGFR3* *PALB2* *PTEN* *RAD51B*	151
Thyroïde	*HRAS* *KRAS* *NRAS* *TERT*	165
Utérin et col de l'utérus	*BRCA2* *EPC1* *ERBB2* *ESR1* *FOXO1* *GREB1* *JAZF1* *NCOA2* *NCOA3* *NUTM2A* *NUTM2B* *PAX3* *PAX7* *PHF1* *POLE* *SMARCA4* *SUZ12* *TP53* *YWHAE*	138
Autres tumeurs solides	*ALK* *APC* *ARID1A* *ASPSCR1* *ATF1* *ATIC* *BAP1* *BCOR* *BRCA1* *BRCA2* *CAMTA1* *CARS* *CCNB3* *CDK4* *CDKN2A* *CIC* *CITED2* *CLTC* *COL1A1* *COL6A3* *CREB1* *CREB3L1* *CREB3L2* *CSF1* *CTNNB1* *DDIT3* *DDX3X* *DNAJB1* *DUX4* *EED* *EGFR* *ERBB2* *ERG* *ETV1* *ETV4* *ETV6* *EWSR1* *FEV* *FGFR2* *FGFR3* *FLI1* *FOXL2* *FOXO1* *FOXO4* *FUS* *GLI1* *HEY1* *HGF* *HMGA2* *IDH1* *KRAS* *LEUTX* *MAML3* *MDM2* *MYB* *MYOD1* *NAB2* *NCOA2* *NF1* *NFATC2* *NFIB* *NR4A3* *NRAS* *NUTM1* *NUTM2A* *NUTM2B* *PALB2* *PATZ1* *PAX3* *PAX7* *PDGFB* *PDGFRA* *PRKACA* *PRKD1* *RANBP2* *ROS1* *SDHA* *SDHB* *SDHC* *SDHD* *SMARCB1* *SS18* *SSX1* *SSX2* *SSX4* *STAT6* *SUZ12* *TAF15* *TCF12* *TERT* *TFE3* *TFEB* *TFG* *TP53* *TPM3* *TPM4* *TRAF7* *TSPAN31* *VGLL2* *WT1* *WWTR1* *YAP1* *YWHAE* *ZC3H7B*	152

Trouvez une liste des 523 gènes inclus dans le portefeuille TruSight Oncology 500.

Un sous-ensemble de biomarqueurs de profilage génomique tumoral pour plusieurs types de cancer. Analyse de contenu fournie par Velsera à partir de la base de connaissances du logiciel de DIV v8.5 (février 2023). * Les gènes indiqués présentent des biomarqueurs ayant une importance connue liés à des étiquettes de médicaments ou à des directives. † Les chiffres indiquent des gènes supplémentaires dans le panel TruSight Oncology 500 qui contiennent des biomarqueurs ayant une importance potentielle selon leur présence dans des essais cliniques. ‡ SNC, système nerveux central.

Flux de travail intégré pour des résultats rapides

Le portefeuille TruSight Oncology 500 fournit un flux de travail rationalisé utilisant la technologie de SNG éprouvée qui permet un PGC rapide et fiable.

Renseignements

Obtenez des renseignements précieux à partir des données génomiques avec les solutions logicielles TruSight Oncology 500, disponibles sur site ou dans le nuage.

Flexibilité

Utilisez des échantillons FFIP ou de l'ADN tumoral circulant (ADNtc) provenant d'une biopsie liquide non effractive pour compléter les études tissulaires ou lorsqu'il est difficile d'obtenir une quantité suffisante de tissus.

Extensibilité

Choisissez parmi plusieurs plateformes pour prendre en charge entre 8 et 960 échantillons/analyse pour les tissus et entre 4 et 48 échantillons/analyse pour l'ADNtc.

Tirez parti des doubles Flow Cell et des paramètres d'analyse indépendants sur la série NovaSeq™ X pour séquencer simultanément les échantillons de biopsie tissulaire et liquide.

Cohérence

Réduisez les erreurs grâce aux options d'automatisation et la durée de manipulation d'environ 50 %[17].

Permettre un profilage génomique complet

	Échantillon	Extraction	Préparation des librairies	Séquençage	Appel des variants	Renseignements et rapports
	Flux de travail de 4 à 5 jours					
TruSight Oncology 500 PGC à partir de la biopsie de tissus	 FFIP	 Trousses d'extraction d'ADN/ARN	 TruSight Oncology 500	 NextSeq™ 550 System ou NextSeq 550Dx* System Jusqu'à huit échantillons	 DRAGEN TruSight Oncology 500 Analysis sur serveur local DRAGEN ou Connected Analytics basée sur le nuage	 Plusieurs options commerciales : Illumina Connected Insights** ou Velsera CGW††
TruSight Oncology 500 High-Throughput PGC à débit élevé à partir de la biopsie de tissus	 FFIP	 Trousses d'extraction d'ADN/ARN	 TruSight Oncology 500 High-Throughput‡	 NextSeq 1000 et 2000† 8 à 36 échantillons NovaSeq 6000 System ou NovaSeq 6000Dx* System† 16 à 192 échantillons Série NovaSeq X† 32 à 960 échantillons	 DRAGEN TruSight Oncology 500 Analysis sur serveur local DRAGEN ou Connected Analytics basée sur le nuage	 Plusieurs options commerciales : Illumina Connected Insights** ou Velsera CGW††
	Flux de travail de 3 à 4 jours					
TruSight Oncology 500 ctDNA v2 PGC à partir de la biopsie liquide	 Sang	 Trousses d'extraction d'ADNa	 TruSight Oncology 500 ctDNA v2	 NovaSeq 6000 System† 8 à 48 échantillons Série NovaSeq X†§ 4 à 48 échantillons	 DRAGEN TruSight Oncology 500 Analysis sur serveur local DRAGEN ou Connected Analytics basée sur le nuage	 Plusieurs options commerciales : Illumina Connected Insights** ou Velsera CGW††

* Instruments NextSeq 550Dx ou NovaSeq 6000Dx en mode recherche uniquement.
† Nécessite un serveur DRAGEN autonome distinct si une analyse secondaire locale est souhaitée.
‡ TruSight Oncology 500 High-Throughput est également compatible avec NextSeq 550 System et l'instrument NextSeq 550Dx (en mode recherche) pour un maximum de huit échantillons.
§ DRAGEN TruSight Oncology 500 ctDNA v2.6+ est requis pour la compatibilité.
** Non disponible dans tous les pays. Illumina Connected Insights prend en charge l'analyse tertiaire définie par l'utilisateur par le biais d'appels d'API à des sources de connaissances tierces.
†† CGW, Clinical Genomics Workspace.

Réduisez la durée de manipulation de 50 % grâce à l'automatisation[17]

Les trousses d'automatisation pour la préparation de librairies de TruSight Oncology 500 et TruSight Oncology 500 High-Throughput sont spécialement conçues pour une utilisation avec les robots de manipulation des liquides, fournissant des volumes optimisés pour maximiser l'efficacité du laboratoire*.

- Réduisez les erreurs et le gaspillage de réactifs
- Augmentez l'évolutivité
- Générez des résultats plus cohérents[18]
- Optimisez les ressources du laboratoire

* Illumina a des partenariats privilégiés avec Beckman Coulter Life Sciences et Hamilton pour développer des scripts spécifiquement destinés à être utilisés avec le portefeuille TruSight Oncology 500.

Scripts d'automatisation

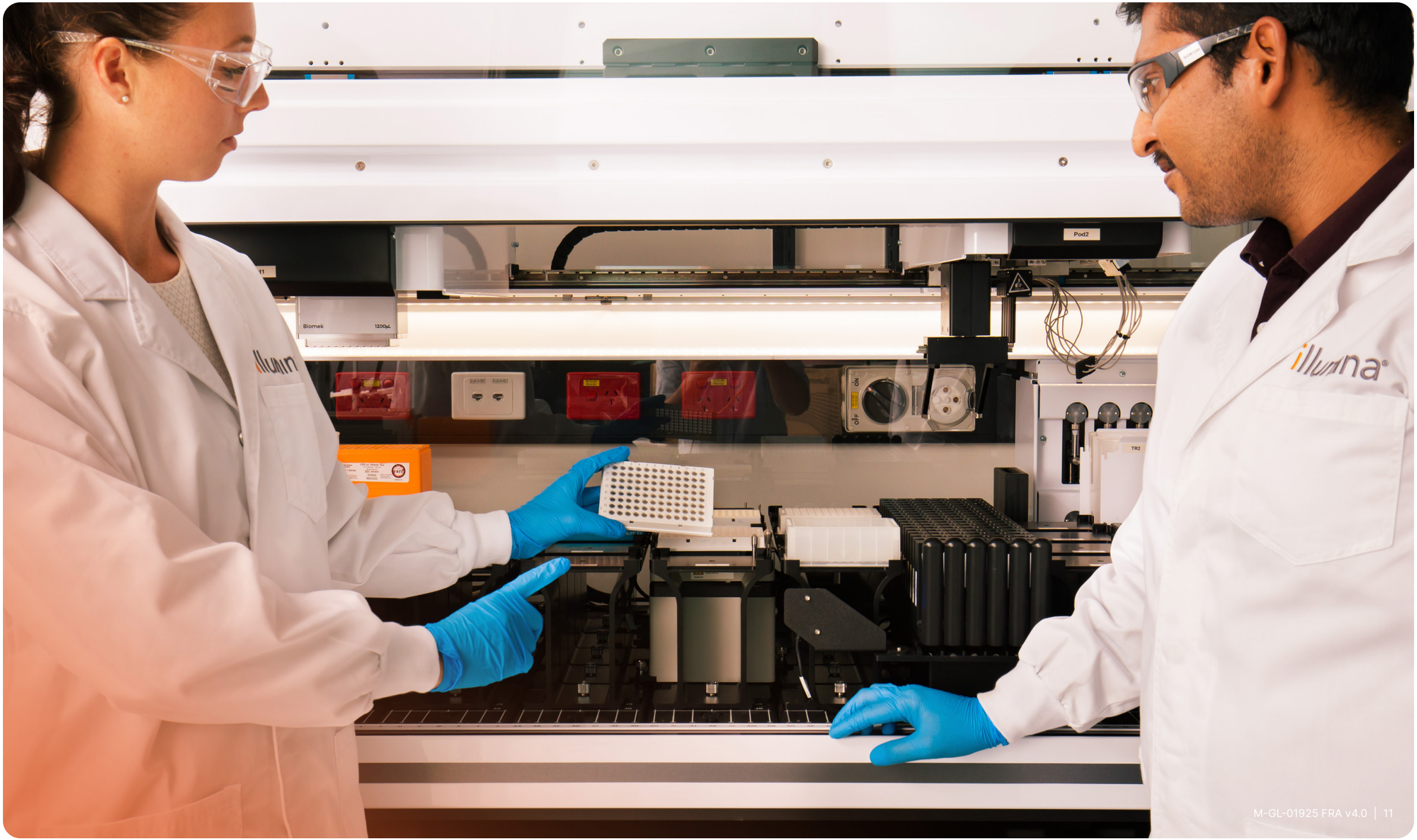
	TruSight Oncology 500	TruSight Oncology 500 High-Throughput	TruSight Oncology 500 ctDNA v2
Beckman Coulter Life Sciences Biomek i7	Méthode qualifiée d'Illumina	Méthode qualifiée d'Illumina	Disponible en 2025
Beckman Coulter Life Sciences Biomek NGeniuS	Méthode qualifiée d'Illumina	S. O.	S. O.
Hamilton NGS STAR	Méthode qualifiée d'Illumina	S. O.	S. O.
Hamilton NGS STAR MOA	Méthode qualifiée d'Illumina	Méthode qualifiée d'Illumina	Méthode qualifiée d'Illumina

Les **méthodes qualifiées d'Illumina** sont développées par le fournisseur avec la contribution d'Illumina. Le fournisseur est responsable de tester la méthode, les données produites étant examinées par Illumina. L'équipement est fourni et installé par le fournisseur. Illumina est disponible pour fournir une assistance secondaire après celle du fournisseur.

Les **méthodes développées par le fournisseur** sont élaborées et testées par le fournisseur. L'équipement est fourni et installé par le fournisseur.

S.O., sans objet.

En savoir plus sur les options d'automatisation


Biomek
1200µL
Pod2
TR2
ON
OFF

Préparation innovante des librairies

Les trousses de préparation de librairies fournissent un contenu partagé et durable tout en offrant une flexibilité dans le type d'entrée d'échantillons et le débit.

TruSight Oncology 500

Permettez la réalisation d'études de PGC en interne avec un test rationalisé à débit moyen.

- Ciblez les variants d'ADN et d'ARN à partir de 523 gènes pertinents pour le cancer, plus l'IMS et la CMT.
- Obtenez les résultats en 4 à 5 jours.

En savoir plus

Ajoutez une évaluation du DRH

Obtenez des renseignements sur le PGC et le DRH à partir d'un échantillon et d'un flux de travail.

- Incluez TruSight Oncology 500 HRD comme complément à TruSight Oncology 500 pour une évaluation complète du DRH*.
- Mesurez la LOH, le TAI et les LST ensemble dans un GIS†, développé par Myriad Genetics.

En savoir plus

TruSight Oncology 500 High-Throughput

Augmentez le débit en regroupant jusqu'à 960 échantillons de tumeurs solides pour les études de PGC.

- Utilisez le même contenu éprouvé que TruSight Oncology 500.
- Choisissez une option d'automatisation pour augmenter l'échelle tout en réduisant la durée de manipulation de 50 %[17].

En savoir plus

TruSight Oncology 500 ctDNA v2

Utilisez des échantillons de sang, dont le prélèvement est non effractif, pour évaluer l'ADN tumoral circulant (ADNtc).

- Ciblez les variants d'ADN à partir de 523 gènes pertinents pour le cancer, plus l'IMS et la CMT.
- Obtenez les résultats en 3 à 4 jours.
- Tirez parti des flux de travail manuels ou automatisés pour un large éventail de tailles de lots (4 à 48 échantillons).

En savoir plus

* TruSight Oncology 500 HRD n'est pas disponible à la vente au Japon.

† GIS, Genomic Instability Score (score d'instabilité génomique); LOH, Loss of Heterozygosity (perte d'hétérozygotie); LST, Large-scale State Transitions (transitions d'états à grande échelle); TAI, Telomeric Allelic Imbalance (déséquilibre allélique des télomères).

	TruSight Oncology 500	TruSight Oncology 500 High-Throughput	TruSight Oncology 500 ctDNA v2
Contenu détecté			
Petits variants d'ADN (indels, MNV, SNV)	✓	✓	✓
Variants du nombre de copies (VNC)	✓	✓	✓
Fusions (ADN, ARN)[a]	✓	✓	✓
Variants d'épissage (ARN)	✓	✓	✗
Biomarqueurs d'immuno-oncologie : CMT/bTMB, IMS	✓	✓	✓
DRH (instabilité génomique et gènes causals)	✓ Nécessite TruSight Oncology 500 HRD	✗[b]	✗
Renseignements spécifiques au test			
Système	NextSeq 550 System ou instrument NextSeq 550Dx (en mode recherche)	Systèmes NextSeq 1000 et 2000[c] NovaSeq 6000 System ou instrument NovaSeq 6000Dx (mode recherche)[c] Série NovaSeq X[c]	NovaSeq 6000 System ou instrument NovaSeq 6000Dx (mode recherche)[c] Série NovaSeq X[c]
Automatisation disponible	✓	✓	✓
Types d'échantillons	Tissu (FFIP)	Tissu (FFIP)	ADNtc extrait du sang
Nombre d'échantillons par analyse	8	NextSeq 1000/2000 : 8 à 36 NovaSeq 6000/6000Dx : 16 à 192 Série NovaSeq X : 32 à 960	4 à 48
Taille du panel	1,94 Mb d'ADN, 358 kb d'ARN	1,94 Mb d'ADN, 358 kb d'ARN	1,94 Mb d'ADN
Exigence d'entrée d'ADN	40 ng	40 ng	20 ng d'ADNa
Exigence d'entrée d'ARN	40 ng	40 à 80 ng	S. O.
Durée totale du test (de l'acide nucléique au rapport sur les variants)	4 à 5 jours	4 à 5 jours	3 à 4 jours

a. Fusions détectées uniquement avec de l'ARN à l'aide de TruSight Oncology 500 ou de TruSight Oncology 500 High-Throughput.
b. Communiquez avec votre représentant commercial Illumina local pour les options.
c. Nécessite un serveur DRAGEN autonome distinct si une analyse secondaire sur un serveur sur site est souhaitée.

Une puissance de séquençage reconnue

Optimisés par la technologie de SNG et la chimie de SBS ou XLEAP-SBS[MC] éprouvées, les systèmes de séquençage d'Illumina constituent le cœur d'un flux de travail intégré de transformation d'échantillons en réponses.

Systèmes de séquençage NextSeq 550 et NextSeq 550Dx†

- Système de paillasse à débit moyen.
- Commandes par bouton-poussoir.
- Réactifs chargement-exécution.
- Bioinformatique rationalisée.

L'instrument NextSeq 550Dx est une version de diagnostic *in vitro* (DIV) du NextSeq 550 System portant le marquage CE et réglementée par la FDA†.

Systèmes NextSeq 1000 et 2000

- Systèmes de paillasse permettant une large gamme d'applications, des panels ciblés au séquençage du génome entier.
- La chimie XLEAP-SBS permet un séquençage plus rapide, plus économique et de meilleure qualité.
- Plusieurs offres de Flow Cell pour plus de flexibilité.

Série NovaSeq X

- Débit le plus élevé de toutes les plateformes de séquençage d'Illumina.
- Configuration en lots d'échantillons flexible avec capacité de double Flow Cell et paramètres d'analyse indépendants.
- Améliorations révolutionnaires en matière de durabilité.
- Économie transformationnelle et gains de productivité.

Systèmes de séquençage NovaSeq 6000 et NovaSeq 6000Dx†

- Système à l'échelle de la production adopté par les principaux laboratoires hospitaliers, commerciaux et universitaires.
- Évolutif pour s'adapter à vos besoins.
- Flux de travail de séquençage flexible pour les applications avancées.

L'instrument NovaSeq 6000Dx est une version de DIV du NovaSeq 6000 System, réglementée par la FDA et portant le marquage CE†.

* La chimie XLEAP-SBS est une chimie de SBS plus rapide, de meilleure qualité et plus robuste disponible sur la série NovaSeq X.

† Destiné au diagnostic *in vitro*. N'est pas proposé dans tous les pays ni toutes les régions. Utilisation en mode recherche avec les solutions TruSight Oncology 500.

Système	NextSeq 550 Sequencing System ou instrument NextSeq 550Dx (en mode recherche)[ab]	Systèmes NextSeq 1000 et 2000			NovaSeq 6000 Sequencing System ou instrument NovaSeq 6000Dx (en mode recherche)[ac]				Série NovaSeq X[c]		
Compatibilité avec les tests	TruSight Oncology 500 TruSight Oncology 500 HRD	TruSight Oncology 500 High-Throughput			TruSight Oncology 500 High-Throughput TruSight Oncology 500 ctDNA v2 TruSight Oncology 500 HRD (Flow Cell SP uniquement)				TruSight Oncology 500 High-Throughput TruSight Oncology 500 ctDNA v2		
Flow Cell	Débit élevé	P2	P3	P4	SP	S1	S2	S4	1.5B	10B	25B
Flow Cell traitées par analyse	1	1	1	1	1 ou 2	1 ou 2	1 ou 2	1 ou 2	1 ou 2	1 ou 2	1 ou 2
Durée de l'analyse	24 h	19 h	31 h	34 h	19 h	19 h	25 à 36 h	36 à 45 h	TruSight Oncology 500 High-Throughput 18,5 h	20 h	33 h
									TruSight Oncology 500 ctDNA v2 22 h	25 h	
Amplifiats passant le filtre (PF) par Flow Cell	Jusqu'à 400 millions	Jusqu'à 400 millions	Jusqu'à 1,2 milliard	Jusqu'à 1,8 milliard	Jusqu'à 800 millions	Jusqu'à 1,6 milliard	Jusqu'à 4,1 milliards	Jusqu'à 10 milliards	Jusqu'à 1,6 milliard	Jusqu'à 10 milliards	Jusqu'à 26 milliards
Longueur de lecture du test	TruSight Oncology 500 et TruSight Oncology 500 HRD	TruSight Oncology 500 High-Throughput			TruSight Oncology 500 High-Throughput et TruSight Oncology 500 HRD	TruSight Oncology 500 High-Throughput 2 × 101 pb	2 × 101 pb	2 × 101 pb	TruSight Oncology 500 High-Throughput 2 × 101 pb	2 × 101 pb	2 × 101 pb
	2 × 101 pb	2 × 101 pb	2 × 101 pb	2 × 101 pb	2 × 101 pb		TruSight Oncology 500 ctDNA v2 2 × 151 pb	2 × 151 pb	TruSight Oncology 500 ctDNA v2 2 × 151 pb	2 × 151 pb	
Nombre d'échantillons par Flow Cell[d]											
TruSight Oncology 500	8	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
TruSight Oncology 500 HRD	8	-	-	-	16	-	-	-	-	-	-
TruSight Oncology 500 High-Throughput	-	8	24	36	16	32	72	192	32	192	480
TruSight Oncology 500 ctDNA	-	-	-	-	-	-	8	24	4	24	-

a. Destiné au diagnostic *in vitro*. N'est pas proposé dans tous les pays ni toutes les régions.

b. Les spécifications d'installation sont basées sur la librairie de contrôle PhiX d'Illumina, aux densités d'amplifiats prises en charge (entre 129 et 165 k/mm^2 amplifiats passant le filtre). Les paramètres de performance réels peuvent varier en fonction du type d'échantillon, de la qualité de l'échantillon et du nombre d'amplifiats passant le filtre. Le pourcentage de bases > Q30 est une moyenne calculée sur l'intégralité de l'analyse.

c. Les données sur le débit et les lectures sont fondées sur le mode Flow Cell simple et l'utilisation d'une librairie de contrôle PhiX d'Illumina aux densités d'amplifiats prises en charge; NovaSeq 6000 System peut activer une ou deux Flow Cell en même temps.

d. Les échantillons par analyse répertoriés pour NovaSeq 6000 System et la série NovaSeq X sont indiqués pour une analyse de Flow Cell unique. Possibilité d'exécuter des doubles Flow Cell pour doubler le débit pour TruSight Oncology 500 High-Throughput et TruSight Oncology 500 ctDNA v2.

Une analyse précise et facile à effectuer réduit les points de contact et accélère l'obtention de renseignements

Illumina Connected Software rationalise les flux de travail de génomique et aide à réduire les congestions en bioinformatique, ce qui vous permet d'obtenir des données fiables plus rapidement.

Flexible

L'analyse locale et infonuagique permet aux laboratoires de choisir l'option qui convient le mieux à leurs besoins.

Évolutif

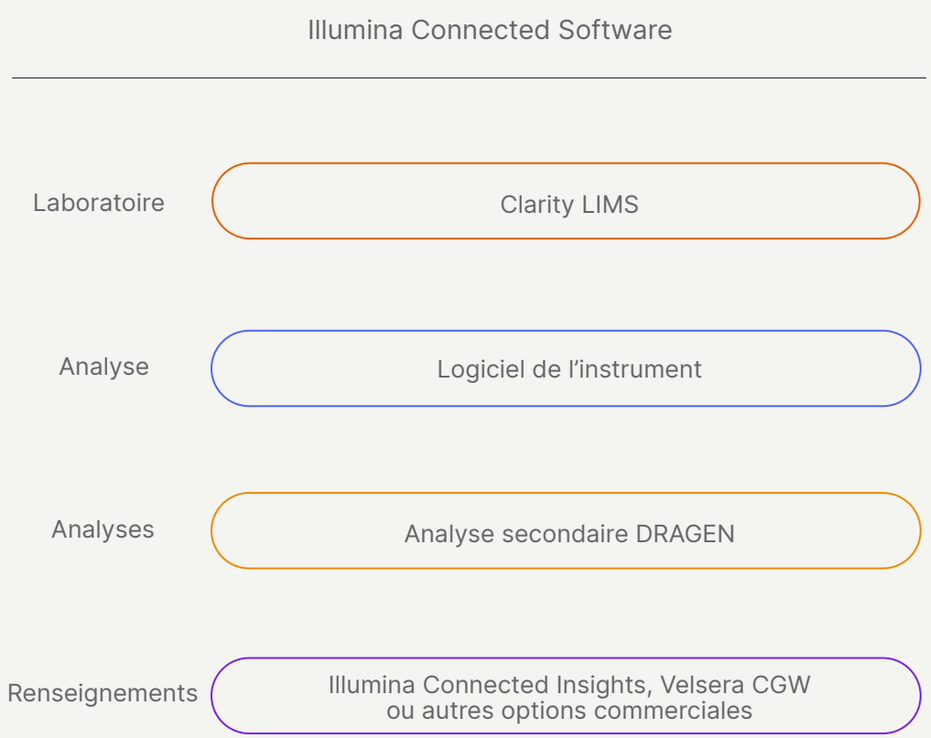
L'analyse infonuagique permet une mise à l'échelle sans investissements supplémentaires en matériels.

Sécurité et conformité

Une gestion simplifiée des données et un flux de travail sans contact répondent aux exigences de sécurité les plus strictes; la sécurité et la gouvernance du partage des données, les pistes de vérification et le chiffrement garantissent la sécurité des données.

Convivial

L'interface intuitive avec transfert automatisé des données et lancement de l'analyse réduit les points de contact pour rendre le logiciel accessible aux utilisateurs généraux et aux professionnels de la bioinformatique.



Optimisation simplifiée du laboratoire

Logiciel Clarity LIMS[MC]

- Les flux de travail préconfigurés rationalisent le suivi des échantillons et la gestion des flux de travail.
- Les calculs automatisés du volume de réactifs et d'échantillons, les transitions d'étapes, l'emplacement des échantillons et le contrôle de la qualité permettent de gagner du temps sur la configuration du flux de travail et la création de scripts.

En savoir plus

Planification rationalisée des analyses

Outils locaux et infonuagiques

- Logiciel convivial pour configurer l'analyse de séquençage et les étapes d'analyse.
- Le transfert et l'analyse automatisés des données éliminent ou réduisent la nécessité d'interagir avec le flux de travail jusqu'à ce que l'analyse soit terminée.
- Choisissez entre BaseSpace[MC] Run Planner et un nombre croissant d'applications intégrées sur instrument.

Analyse secondaire précise

Analyse secondaire DRAGEN

- Fournit une précision de pointe[19] et une assistance complète pour plusieurs types de variants.
- Appels des variants d'ADN (SNV, indels, VNC, VNC absolus*, LOH*, pureté tumorale* et ploïdie*, IMS, CMT et GIS†) et des variants d'ARN (fusions et épissages)‡.
- Exécute l'analyse 2 à 10 fois plus rapidement que les autres pipelines[17], ce qui est essentiel pour les applications à débit élevé.

Les pipelines d'analyse de tissus et d'ADNtc DRAGEN TruSight Oncology 500 sont disponibles localement par l'entremise d'une application sur instrument et un serveur DRAGEN sur site ou dans le nuage par le biais d'Illumina Connected Analytics.

En savoir plus

Renseignements précieux

Illumina connected Insights§

- Permet aux laboratoires de mettre en œuvre et d'automatiser des étapes spécifiques au processus, de la hiérarchisation des variants à la génération de rapports.
- Rationalise l'interprétation des variants pour traiter les congestions et faire progresser la médecine de précision.
- Exploite plus de 45 sources de connaissances externes pour identifier les biomarqueurs pertinents, les essais cliniques, les étiquettes de médicaments et les directives.

En savoir plus

Velsera Clinical Genomics Workspace (CGW)

- Permet la classification des variants par niveaux par pertinence clinique en fonction de la littérature, des directives, des étiquettes de médicaments et des renseignements sur les essais cliniques les plus récents.
- Génère un rapport d'interprétation final fondé sur des données probantes avec des résultats clairs et visuels qui respectent les directives de rapport AMP, CAP, ASCO et ACMG**.

* Disponible en tant que fonctionnalités bêta avec TruSight Oncology 500 HRD.

† L'algorithme du GIS développé par Myriad Genetics n'est accessible qu'avec TruSight Oncology 500 HRD. Non disponible au Japon.

‡ Les variants d'ARN ne sont pas inclus avec TruSight Oncology 500 ctDNA.

§ N'est pas proposé dans tous les pays. Illumina Connected Insights prend en charge l'analyse tertiaire définie par l'utilisateur par le biais d'appels d'API à des sources de connaissances tierces.

** AMP, Association of Molecular Pathology; CAP, College of American Pathologists; ASCO, American Society of Clinical Oncology; ACMG, American College of Medical Genetics.

Amélioration des attributs du produit

Pour une plus grande efficacité du laboratoire, les produits TruSight Oncology 500 comprennent :*

Certificat d'analyse

Chaque produit TruSight Oncology 500 est délivré avec un certificat d'analyse (CdA) par le service d'assurance qualité d'Illumina qui vérifie que le produit a satisfait aux spécifications et à la qualité de libération prédéterminées du produit.

Durée de conservation prolongée

La durée de conservation minimale garantie pour les réactifs TruSight Oncology 500 est prolongée à six mois, ce qui réduit le risque d'expiration du produit et permet aux laboratoires d'utiliser les réactifs en fonction des besoins actuels des tests.

Notification de modification avancée

Illumina informe les laboratoires six mois avant que des changements significatifs ne soient apportés à un produit de la gamme TruSight Oncology 500.

* Pour les ensembles TruSight Oncology 500 sur l'instrument NextSeq 550Dx, les fonctionnalités améliorées ne s'appliquent qu'aux trousses de préparation de librairies et non aux consommables de base. Les expéditions en lots uniques pour les trousses manuelles TruSight Oncology 500 ctDNA v2 sont disponibles dès maintenant. Les expéditions en lots uniques pour les trousses d'automatisation TruSight Oncology 500 ctDNA v2 seront disponibles en 2024.

Une assistance complète

Le service et l'assistance d'Illumina commencent à la livraison de votre instrument Illumina. Nos scientifiques et ingénieurs sont prêts à vous aider dans l'installation des instruments et la configuration de votre laboratoire. En plus de l'assistance sur site, des cours sont disponibles pour former les utilisateurs à de nombreux flux de travail. Les scientifiques d'Illumina sont disponibles 24 heures sur 24, cinq jours sur sept dans le monde entier pour répondre à toutes vos questions à chaque étape du processus.

Service d'évaluation et de vérification d'Illumina

Accélérez l'évaluation analytique avec des outils et des protocoles destinés à vous guider dans l'alignement sur les dernières normes CAP, AMP et européennes*.

Formation Illumina

Obtenez des résultats de haute qualité sur la technologie d'Illumina encore plus rapidement avec des cours pratiques dirigés par un instructeur et des options de formation en ligne sur divers sujets.

Communiquer avec Illumina

Communiquez avec un représentant commercial d'Illumina pour en savoir plus sur nos solutions.

Communiquez avec nous

* Disponible uniquement pour TruSight Oncology 500 sur les systèmes NextSeq 550 ou NextSeq 550Dx.

Références

1. Drilon A, Wang L, Arcila ME, et al. Broad, Hybrid Capture-Based Next-Generation Sequencing Identifies Actionable Genomic Alterations in Lung Adenocarcinomas Otherwise Negative for Such Alterations by Other Genomic Testing Approaches. *Clin Cancer Res*. 2015;21(16):3631-3639. doi:10.1158/1078-0432.CCR-14-2683
2. Zehir A, Benayed R, Shah RH, et al. Mutational landscape of metastatic cancer revealed from prospective clinical sequencing of 10,000 patients [une version corrigée est publiée dans Nat Med. 4 août 2017;23 (8):1004]. *Nat Med*. 2017;23(6):703-713. doi:10.1038/nm.4333
3. Reitsma M, Fox J, Borre PV, et al. Effect of a Collaboration Between a Health Plan, Oncology Practice, and Comprehensive Genomic Profiling Company from the Payer Perspective. *J Manag Care Spec Pharm*. 2019;25(5):601-611. doi:10.18553/jmcp.2019.18309
4. Kopetz S, Mills Shaw KR, Lee JJ, et al. Use of a Targeted Exome Next-Generation Sequencing Panel Offers Therapeutic Opportunity and Clinical Benefit in a Subset of Patients With Advanced Cancers. *JCO Precis Oncol*. 2019;3:PO.18.00213. Publié le 8 mars 2019. doi:10.1200/PO.18.00213
5. Ali SM, Hensing T, Schrock AB, et al. Comprehensive Genomic Profiling Identifies a Subset of Crizotinib-Responsive ALK-Rearranged Non-Small Cell Lung Cancer Not Detected by Fluorescence In Situ Hybridization. *Oncologist*. 2016;21(6):762-770. doi:10.1634/theoncologist.2015-0497
6. Piening BD, Dowdell AK, Weerasinghe R, et al. Comprehensive Genomic Profiling in Patients with Advanced Cancer in a Large US Healthcare System. Affiche présentée à : Association for Molecular Pathology (AMP) 2020; du 16 au 20 novembre 2020; réunion virtuelle.
7. Stransky N, Cerami E, Schalm S, Kim JL, Lengauer C. The landscape of kinase fusions in cancer. *Nat Commun*. 2014;5:4846. doi:10.1038/ncomms5846.
8. Boland GM, Piha-Paul SA, Subbiah V, et al. Clinical next generation sequencing to identify actionable aberrations in a phase I program. *Oncotarget*. 2015;6(24):20099-20110. doi:10.18632/oncotarget.4040
9. Massard C, Michiels S, Ferté C, et al. High-Throughput Genomics and Clinical Outcome in Hard-to-Treat Advanced Cancers: Results of the MOSCATO 01 Trial. *Cancer Discov*. 2017;7(6):586-595. doi:10.1158/2159-8290.CD-16-1396.
10. Harris MH, DuBois SG, Glade Bender JL, et al. Multicenter Feasibility Study of Tumor Molecular Profiling to Inform Therapeutic Decisions in Advanced Pediatric Solid Tumors: The Individualized Cancer Therapy (iCat) Study. *JAMA Oncol*. 2016;2(5):608-615. doi:10.1001/jamaoncol.2015.5689
11. Parsons DW, Roy A, Yang Y, et al. Diagnostic Yield of Clinical Tumor and Germline Whole-Exome Sequencing for Children With Solid Tumors. *JAMA Oncol.* 2016;2(5):616-624. doi:10.1001/jamaoncol.2015.5699
12. Illumina. TruSight Oncology 500 and TruSight Oncology 500 High-Throughput data sheet. https://www.illumina.com/products/by-type/clinical-research-products/trusight-oncology-500.html. Consulté le 30 août 2023.
13. Illumina. TruSight Oncology 500 ctDNA v2 data sheet. https://www.illumina.com/products/by-type/clinical-research-products/trusight-oncology-500-ctdna-v2.html. Consulté le 30 août 2023.
14. Velsera. IVD software Knowledge Base v8.5. Consulté en février 2023.
15. Mosele F, Remon J, Mateo J, et al. Recommendations for the use of next-generation sequencing (NGS) for patients with metastatic cancers: a report from the ESMO Precision Medicine Working Group. *Ann Oncol*. 2020;31(11):1491-1505. doi:10.1016/j.annonc.2020.07.014
16. Ettinger DS, Wood DE, Aisner DL, et al. NCCN Guidelines Insights: Non-Small Cell Lung Cancer, Version 2.2021. *J Natl Compr Canc Netw*. 2021;19(3):254-266. Publié le 2 mars 2021. doi:10.6004/jnccn.2021.0013
17. Données internes. Illumina, Inc. 2021.
18. Socea JN, Stone VN, Qian X, Gibbs PL, Levinson KJ. Implementing laboratory automation for next-generation sequencing: benefits and challenges for library preparation. *Front Public Health*. 2023;11:1195581. Publié le 13 juillet 2023. doi:10.3389/fpubh.2023.1195581
19. PrecisionFDA. Truth Challenge V2: Calling Variants from Short and Long Reads in Difficult-to-Map Regions. https://precision.fda.gov/challenges/10/results. Consulté le 14 août 2023.

Passez de l’incertitude à l’obtention de renseignements dans le domaine du cancer

Le PGC offre une méthode rationalisée et plus rapide pour obtenir des renseignements sur les fondements génomiques du cancer. Grâce à des solutions éprouvées et à une assistance de classe mondiale, le portefeuille TruSight Oncology 500 d’Illumina est prêt pour vos efforts de PGC. Illumina s’engage à investir dans le portefeuille TruSight Oncology 500 pour apporter de nouvelles avancées aux chercheurs en oncologie.

Ensemble, nous pouvons obtenir une meilleure compréhension du génome et faire avancer la médecine de précision.

Rendez-vous sur www.illumina.com/tso500 ou communiquez avec nous dès aujourd’hui.

illumina[MD]

Nous sommes toujours à votre disposition pour toute question, tout renseignement et toute conversation. Consultez le site illumina.com.

Numéro sans frais aux États-Unis : + (1) 800 809-4566 | Téléphone : + (1) 858 202-4566
techsupport@illumina.com | www.illumina.com

© 2024 Illumina, Inc. Tous droits réservés. Toutes les marques de commerce sont la propriété d’Illumina, Inc. ou de leurs détenteurs respectifs. Pour obtenir des renseignements sur les marques de commerce, consultez la page www.illumina.com/company/legal.html.

Destiné à la recherche uniquement. Ne pas utiliser à des fins de diagnostic.

M-GL-01925 FRA v4.0