

illumina®

拓展探索空间， 迎接更多发现

在 NovaSeq™ X 系列和 25B 流动槽上进行
质量更高、成本更低的多组学研究¹



160 亿多 read 对您的研究意味着什么：

单细胞 RNA 测序
(scRNA-Seq)

600k

的细胞增加量¹

全转录组测序
(WTS)

320

的样本增加量¹

全基因组测序
(WGS) + WTS

40

的样本增加量¹

与 NovaSeq 6000 上的 S4 流动槽相比，
同样的预算¹下可处理的**样本数提升至约 2.5 倍**

多组学的成本低于单一组学：在 NovaSeq X 系列 25B 流动槽上同时进行全外显子组 and 全转录组测序，比在之前的平台上单独进行全外显子组测序**更具成本效益**。

对结果充满信心：



减少批次效应

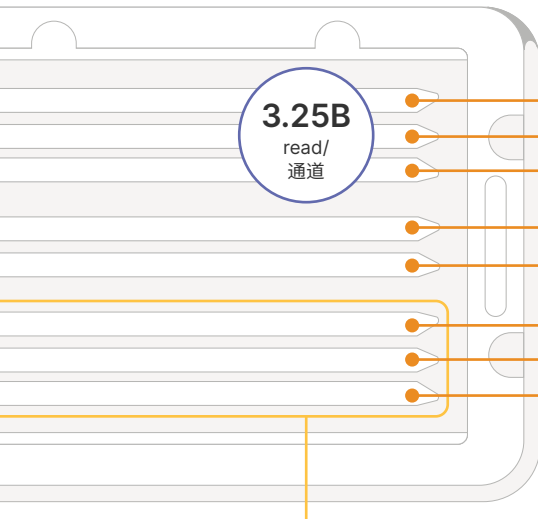


更好地检出变异



提高统计显著性

使用 8 条可独立上样的通道开展多种项目



新型 25B 流动槽的三个通道相当于整个 NovaSeq 6000 S4 流动槽的容量

以下是可在 NovaSeq X 25B 流动槽上同时运行的多种文库的示例：

- 8 个全基因组
- 5-6 个样本的全基因组亚硫酸氢盐测序 (WGBS²)
- 65 个全转录组³
- 130 个编码转录组⁴
- 65 个样本的染色质转座酶可及性测序分析 (ATAC-Seq)⁵
- 9 个样本的 scRNA-Seq + 蛋白质分析⁶
- 4 个样本的 scRNA-Seq + scATAC-Seq⁷
- 65 个样本的染色质免疫沉淀测序 (ChIP-Seq)⁸

通过自动独立通道上样和 384 个唯一双标签序列，研究人员可以在单个流动槽上对 **3000 多个样本** 进行多重检测。

NovaSeq X 系列让多组学研究更加便捷



使用 XLEAP-SBS 化学技术，**准确度提升至 3 倍¹**



速度提升至约 2 倍¹



在相同的冰箱空间内，**可储存大于 2.5 倍数量的流动槽¹**



机载 DRAGEN™ 生物信息学，**无需额外费用¹**

illumina®

illumina 中国

上海办公室 • 电话 (021) 6032-1066 • 传真 (021) 6090-6279
北京办公室 • 电话 (010) 8441-6900 • 传真 (010) 8455-4855
技术支持热线 400-066-5835 • chinasupport@illumina.com
市场销售热线 400-066-5875 • china_info@illumina.com • www.illumina.com.cn



因美纳 因美纳讲堂



了解 NovaSeq X 系列如何使用测序方法更简便、更快捷、更经济
[扫描下载最新 NovaSeq X 电子书](#)

© 2024 Illumina, Inc. 保留所有权利。所有商标均为因美纳公司或其各自所有者的财产。
关于具体的商标信息，请访问 www.illumina.com.cn/company/legal.html。

1. 与 NovaSeq 6000 上的 S4 流动槽相比。NovaSeq X 上的 WGBS 假定 7 条通道上样 WGS 文库，1 条通道上样匹配的 WTS 文库；NovaSeq 6000 假定 3 条通道上样 WGS 文库，1 条通道上样匹配的 WTS 文库。2. 全基因组亚硫酸氢盐测序，假定每个样本 500M read。3. 假定每个样本 50M read。4. 假定每个样本 25M read。5. 转座酶可及性染色质测序，假定每个样本 50M read。6. 假定每个样本 10K 个细胞，每个细胞 10K read，每个抗体衍生标记 100 条 read。7. 假定每个样本 10K 个细胞，scATAC-Seq 每个细胞 25K 条 read，scRNA-Seq 每个细胞 20K 条 read。8. 假定每个样本 50M read。9. 不保证，实际样本数量和 read 深度要求可能有所不同。

M-GL-01797

仅供研究使用，不得用于诊断。